ISTRUZIONI PER INVIO DEL FLUSSO GENOTIPIZZAZIONI

TRACCIATO GENOTIPIZZAZIONE

1. ID ACCETTAZIONE

2. NOME

3. COGNOME

4. DATA DI NASCITA (GG/MM/AAAA)

5. SESSO (M/F)

6. COMUNE DI DOMICILIO (COME PER IL FLUSSO TAMPONI)

7. DATA INIZIO SINTOMI (GG/MM/AAAA)

8. DATA RICEZIONE (GG/MM/AAAA)

9. REFERTO (GG/MM/AAAA) (E’ la data di rilascio del referto di genotipizzazione)

10. OSPEDALE DI PROVENIENZA

11. ESITO: POSITIVO / NEGATIVO / NON VALUTABILE / ALTRO

12. CODICE FISCALE (COME PER IL FLUSSO TAMPONI)

13. TELEFONO PAZIENTE (INSERIRE UN SOLO NUMERO TELEFONICO AD ESEMPIO

333111222333)

14. SETTING (UTILIZZARE STESSI SETTING UTILIZZATI PER I TAMPONI MOLECOLARI)

15. PROVENIENZA (COME PER IL FLUSSO TAMPONI)

16. MATERIALE (COME PER IL FLUSSO TAMPONI)

17. MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE (VEDI CODIFICA MOTIVO)

18. MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE SPECIFICO (Campo testo, max 255 caratteri da valorizzare in caso di ALTRO nel campo "motivo Genotipizzazione")

19. METODICA SANGERGENES/NGS : SANGER/NGS/RT-PCR, specifica la metodica utilizzata

20. TIPO VARIANTE VOC (VEDI CODIFICA VARIANTI)

21. CODICE GISAID: Codifica GISAID, lunghezza massima 255 caratteri

22: LINEAGE: codifica lineage della variante, utilizzato in caso di variante con codice “99”

CODIFICA MOTIVI:

“1” : campionamento random

“2” : Viaggio in zone con alta incidenza di varianti

“3” : Aumento dei casi o cambiamento nella trasmissibilità e/o virulenza in un’area o focolaio

“4” : reinfezione

“5” : individui vaccinati contro SARS-CoV-2 che successivamente si infettano nonostante una

risposta immunitaria al vaccino

“6” : amplificazione negativa del gene S

“7” : screening scuola under 19

“99” : nessuno dei motivi, specificare nel campo aggiuntivo “MOTIVO GENOTIPIZZAZIONE SPECIFICA”

CODIFICA VARIANTI

"1" VOC lineage B.1.1.7 (variante UK)

"2" VOC lineage B.1.351 (variante Sudafrica)

"3" VOC lineage P.1 (variante Giappone ex Brasile)

~~“4” variante compatibile sia con variante sudafricana sia brasiliana~~ non più utilizzabile

“5” VOI lineage B.1.525 (variante Nigeria)

“6” VOI lineage P.2 (variante Brasile)

“7” VOC lineage B.1.1.7 con mutazione E484K (variante UK con mutazione E484K)

“8” VUI lineage B.1.617.1 con mutazione E484Q (variante India)

“9” varianti da indagine di screening RT-PCR con presenza di mutazione E484K da sequenziare

“99” variante non identificata, richiede la valorizzazione del capo LINEAGE

**Nota 1: l’utilizzo del metodo RT-PCR prevede la possibilità di codificare solo per le seguenti varianti 1 (VOC lineage B.1.1.7 (variante UK) e 9 (varianti da indagine di screening RT-PCR con presenza di mutazione E484K da sequenziare); si specifica che se nello screening RT-PCR non si trovano le varianti ricercate (1 e 9) va posto nel campo ESITO il valore NEGATIVO**